Docente: **Giorgio Valentini** Tutor: **Matteo Re**



Insegnamento: Bioinformatica A.A. 2011-2012 semestre II

C.d.l. **BIOTECNOLOGIE DEL FARMACO**

Apprendimanto automatico

Giorgio Valentini

e -mail: valentini@dsi.unimi.it

http://homes.dsi.unimi.it/~valenti

Matteo Re

e -mail: re@dsi.unimi.it

http://homes.dsi.unimi.it/~re

DSI – Dipartimento di Scienze dell' Informazione Università degli Studi di Milano

Apprendimento automatico

Obiettivi:

Scrivere programmi che siano in grado di analizzare dei campioni e fornire, per ognuno di essi, un'opinione (usiamo il termine «opinione» in senso molto ampio).

I «campioni» possono essere geni, molecole, proteine, immagini ecografiche, analisi biochimico-cliniche, ecc. ...

Apprendimento automatico

Perché è necessario?

- Non esistono «esperti» umani (navigazione su Marte)
- Operatori umani non sono in grado di spiegare come svolgono una determinata operazione (es. riconoscimento del parlato)
- La soluzione cambia nel tempo (il sistema deve essere in grado di adattarsi in modo estremamente rapido)
- La soluzione deve essere adattata a casi specifici (es. rilevatori biometrici: scansione retinica)

Apprendimento automatico

Diverse classi di metodi di apprendimento automatico:

 Il tipo di metodo dipende essenzialmente dal tipo di opinione che vogliamo esprimere (o dal tipo di problema che si vuole risolvere).

L'apprendimento automatico si divide classicamente in due grosse aree (anche se, di recente, ne stanno emergendo di nuove) :

- apprendimento SUPERVISIONATO ed
- apprendimento NON SUPERVISIONATO

Cosa si intende per apprendimento?

- Costruzione di modelli «generali» a partire da un ristretto insieme di esempi
- I dati costano poco e sono abbondanti (es statistiche di navigazione in rete); la conoscenza dei fenomeni che vogliamo analizzare è spesso scarsa, incompleta (e costosa da produrre)

OBIETTIVO: costruire modelli che siano utili a fini pratici e che rappresentino una <u>approssimazione</u> accettabile delle informazioni (conoscenza) a disposizione riguardanti il fenomeno che vogliamo studiare.

Apprendimento automatico dal punto di vista operativo

- Definizione di un obiettivo
- Definizione di un criterio di ottimizzazione che permetta di verificare se l'obiettivo è stato raggiunto (e di quantificare le performance)

Sono necessarie competenze da diverse aree di ricerca (statistica, informatica)

Ruolo dell'informatica: sviluppo di programmi efficienti per risolvere il problema di ottimizzazione (utilizzo del criterio di ottimizzazione per testare molte possibili soluzioni e trovare la migliore). Creazione di un modello. Utilizzo del modello per produrre un'opinione.

(alcune) Aree di applicazione

- Finanza: analisi di mercato, analisi e previsioni fluttuazioni azionarie, rilevamento di frodi
- Astronomia: classificazione galassie, classificazione stelle
- Medicina: supporto alla diagnosi
- Bioinformatica: analisi di motivi in sequenze di DNA/RNA, identificazione di nuovi geni, ...
- Sviluppo farmaci: riposizionamento, predizione interazione farmaco-target

... e molte altre

(alcune) Aree di applicazione

- Finanza: analisi di mercato, analisi e previsioni fluttuazioni azionarie, rilevamento di frodi
- Astronomia: classificazione galassie, classificazione stelle
- Medicina: supporto alla diagnosi
- Bioinformatica: analisi di motivi in sequenze di DNA/RNA, identificazione di nuovi geni, ...
- Sviluppo farmaci: riposizionamento, predizione interazione farmaco-target

... e molte altre

Ne esistono molti tipi ma hanno tutti alcune caratteristiche in comune:

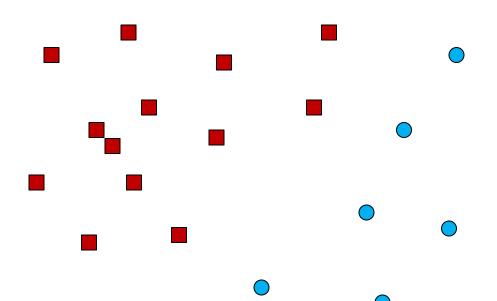
- Operano in fasi distinte: addestramento e test
- Durante la <u>fase di addestramento</u> ad ogni esempio sono associate delle informazioni aggiuntive (spesso nella forma di un'etichetta che definisce la classe dell'esempio. Ad es. sano/malato).
- Durante la <u>fase di addestramento</u> viene prodotto un **modello** che, a partire dall'esempio permette di predire l'etichetta (o classe) dell'esempio.
- Durante la <u>fase di test</u> si usa il modello per predire la classe di esempi **non utilizzati durante l'addestramento** (ma per i quali è disponibile l'etichetta) e si quantificano le performance del modello.

Librerie R

 In R esistono diverse librerie contenenti strumenti utilizzabili in esperimenti di apprendimento automatico (machine learning). In particolare noi utilizzeremo:

e1071 (CRAN)

caret (CRAN)

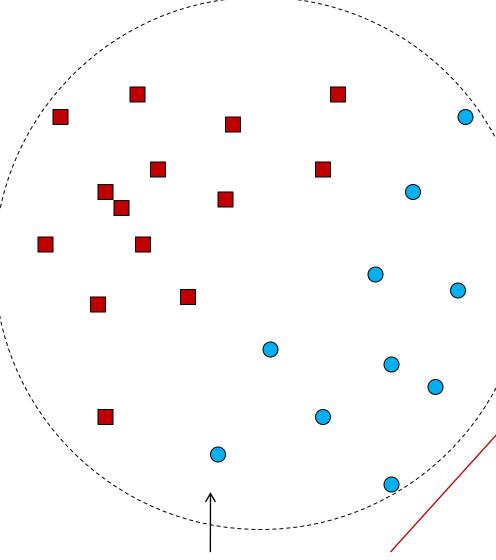


SCENARIO:

- Due classi (rosso/blu)
- Collezione di esempi
- Obiettivo: creazione di un modello che permetta di predire se la classe di un esempio è rosso o blu



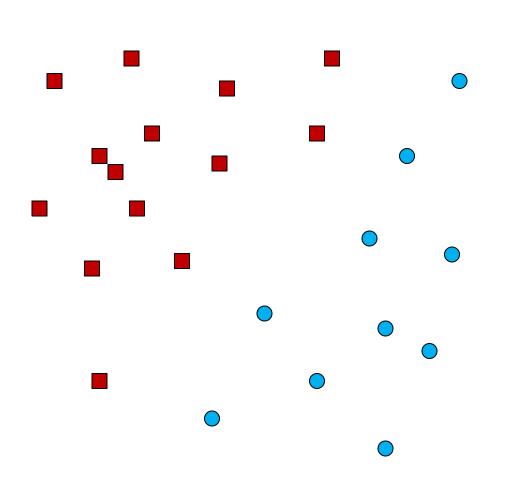
TIPO DI PROBLEMA: Classificazione binaria



PUNTO FONDAMENTALE:

Per ogni esempio abbiamo a disposizione la VERA classe dell'esempio (sappiamo se l'esempio appartiene alla classe rosso o alla classe blu).

Abbiamo delle "etichette" di riferimento

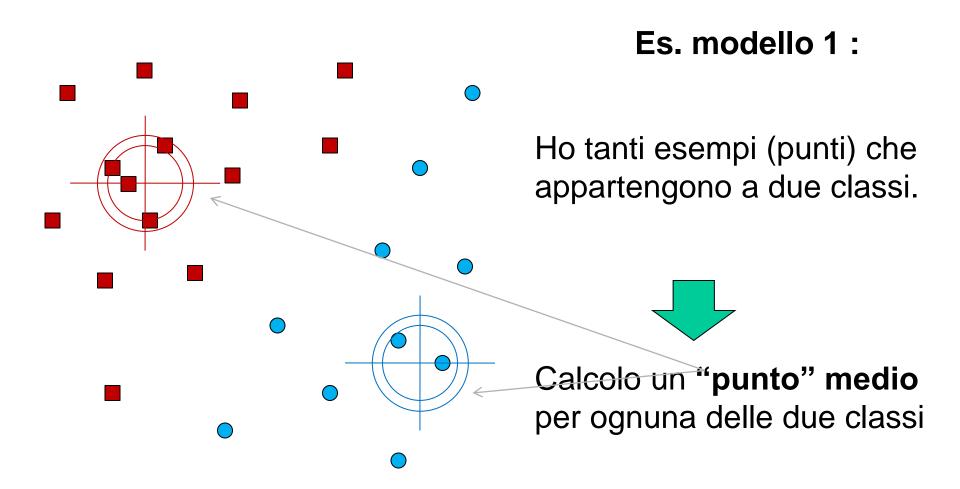


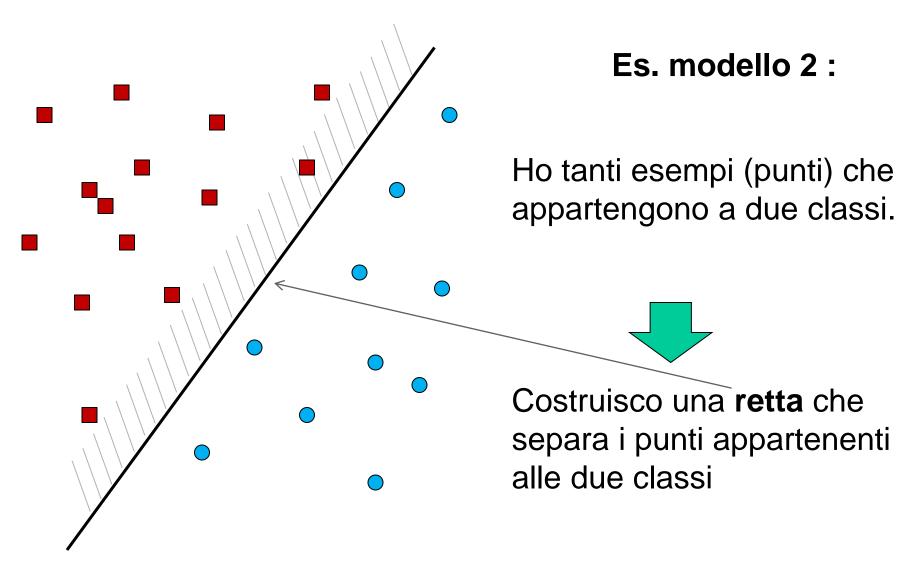
PROBLEMA:

L'obiettivo è la creazione di un modello ...
Ma cosa è un modello?



"Modello" è un termine generico ... ne esistono moltissimi tipi diversi!!!

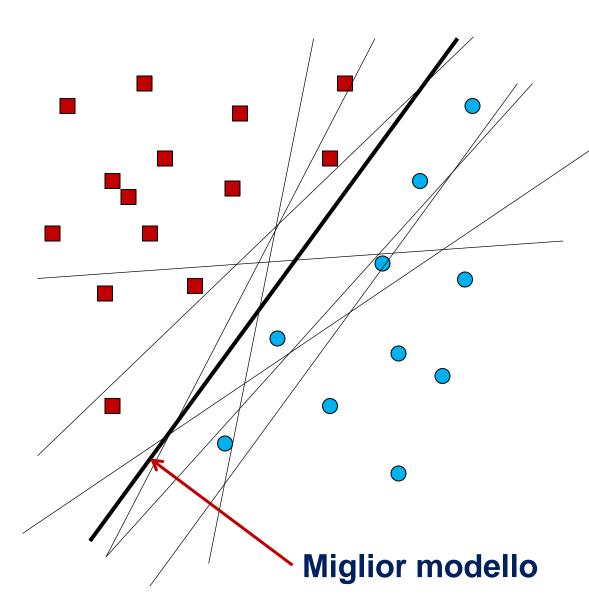




NB: La costruzione dei tipi di modello che abbiamo visto nelle slide precedenti è possibile solo se siamo in grado di riconoscere la classe degli esempi (punti).

Questo vuol dire che possiamo addestrare il modello SOLO SE ABBIAMO LE ETICHETTE DEI PUNTI CHE VEDIAMO DURANTE L'ADDESTRAMENTO.

Tra tutti i possibili modelli (ad es. tra tutte le possibili rette separatrici) sceglieremo quello che separa meglio i punti ...



Esistono infinite rette

- Voglio scegliere quella che separa meglio i punti delle due classi
- Posso testare molti modelli (rette) e scegliere quello che separa meglio le classi SOLO SE CONOSCO LE CLASSI DEI PUNTI.

- Scelgo il "tipo" di modello che voglio addestrare
- Testo varie versioni del modello : **OTTIMIZZAZIONE del modello** , per ogni versione del modello quantifico l'errore nella classificazione dei punti
- Posso ottimizzare perché conosco la vera classe dei punti di addestramento

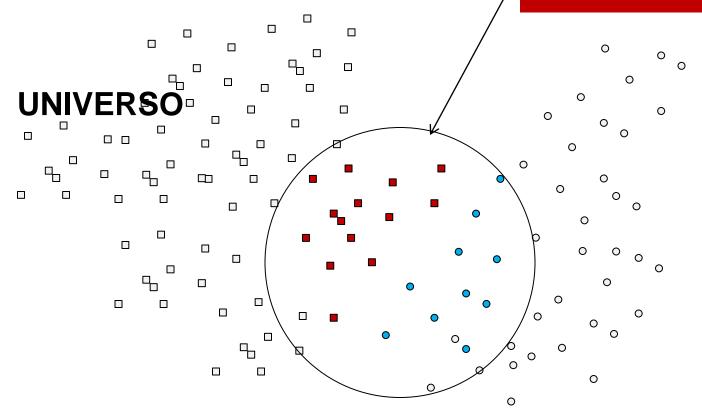
Questi metodi si chiamano "supervisionati" perché durante il training la scelta del modello finale è effettuata sulla base di performance quantificabili mediante il confronto tra classi predette (dal modello) e classi reali (definite dalle etichette).

I metodi supervisionati sono tra i più potenti per la soluzione

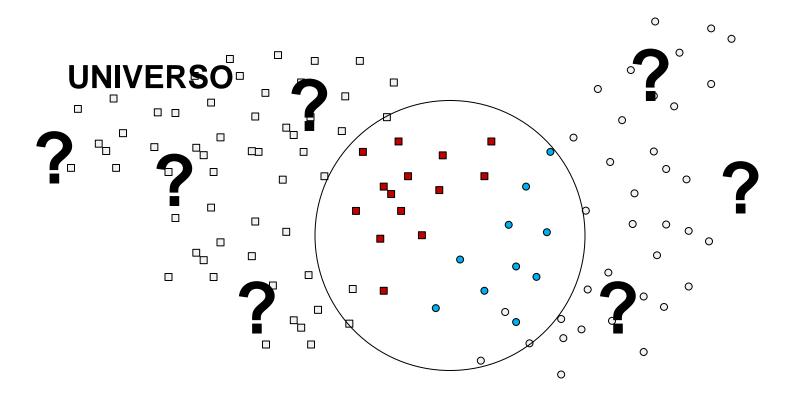
di problemi di classificazione.

Tuttavia non sono esenti da difetti.

Dati disponibili durante l'addestramento

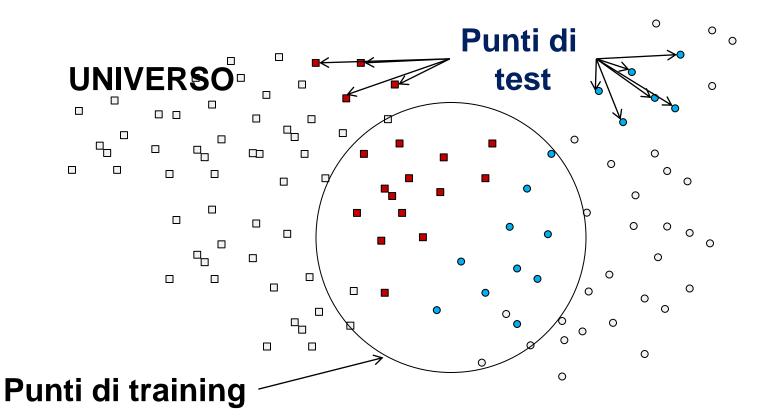


Chi mi garantisce che un modello che ha performance buone sui dati di training non avrà performance mediocri su tutti i possibili punti che non abbiamo usato durante l'addestramento?



Possibile soluzione: Testare il modello addestrato su punti

- per i quali è disponibile un'etichetta
- non utilizzati in fase di addestramento



Un problema cruciale per tutti i metodi di apprendimento automatico (indipendentemente dal fatto che siano supervisionati o non supervisionati) è la quantificazione delle performance.

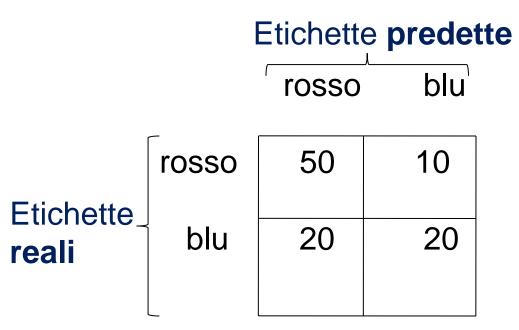
Anche in questo caso il tipo di metodo di quantificazione dipende strettamente dal problema affrontato.

Vediamo un esempio che riguarda:

- un metodo di apprendimento supervisionato
- un problema di **classificazione** (decidere se un punto è di classe "rosso"

Supponiamo di aver addestrato un modello utilizzando 100 esempi di training. Di questi 100, 60 sono di classe "rosso" e 40 sono di classe "blu".

Il modello ha effettuato le seguenti classificazioni:



Etichetta reale	Etichetta predetta	Tipo predizione
rosso	rosso	True positive (TP) (50)
rosso	blu	False negative (FN) (10)
blu		True negative (TN) (20)
blu	rosso	False positive (FP) (20)



blu rosso





10 50 rosso 20 blu 20

NB: la somma è sempre 100 (pari al numero di punti di training)

Matrice di confusione

Etichetta reale	Etichetta predetta	Tipo predizione
rosso		True positive (TP) (50)
rosso		False negative (FN) (10)
blu	blu	True negative (TN) (20)
blu	rosso	False positive (FP) (20)

Misure di performance :

Precisione: «Quanti dei punti che ho predetto di tipo rosso sono davvero punti di classe «rosso» ?

Precisione:
$$\frac{TP}{TP + FP} = 50 / (50+20) = 0.7142$$

Etichetta reale	Etichetta predetta	Tipo predizione
rosso		True positive (TP) (50)
rosso	blu	False negative (FN) (10)
blu	blu	True negative (TN) (20)
blu	rosso	False positive (FP) (20)

Misure di performance :

Sensibilità:

«Dei punti che **dovrei** predire come «rosso» quanti ne ho predetti di classe «**rosso**»?

TP

TP + **FN**

Sensibilità

$$= 50 / (50+10) = 0.8333$$

somma dei positivi nel training set

Etichetta reale	Etichetta predetta	Tipo predizione
rosso		True positive (TP) (50)
rosso		False negative (FN) (10)
blu	blu	True negative (TN) (20)
blu	rosso	False positive (FP) (20)

Misure di performance :

Specificità: «Dei punti che ho predetto come «blu» (negativo) quanti sono in realtà di classe «rosso» (positivo)?

TN Specificità :
$$= 20 / (20+10) = 0.6666$$
TN + FN

La curva ROC è una tecnica statistica attualmente utilizzata in una grande varietà di campi scientifici.

Questa tecnica trae origine nell'ambito della **teoria della rivelazione del segnale**. Si tratta di una metodologia che è stata utilizzata per la prima volta da alcuni ingegneri, durante la seconda guerra mondiale, per l'analisi delle immagini radar e lo studio del rapporto segnale/disturbo.

E' possibile usare la curva ROC per valutare le performance di un modello di classificazione.

Razionale:

Supponiamo di aver addestrato un classificatore che, per ogni esempio, esprima un giudizio nella forma di un numero reale compreso tra 0 e 1 (inclusi).

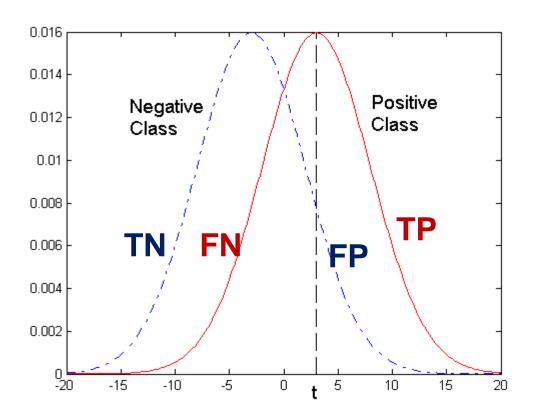
Per ogni esempio abbiamo a disposizione una etichetta che ci informa rispetto alla classe dell'esempio.

Possiamo definire una soglia t e decidere che se lo score prodotto dal classificatore è >t allora l'opinione espressa è «positivo», in caso contrario l'opinione espressa è «negativo».

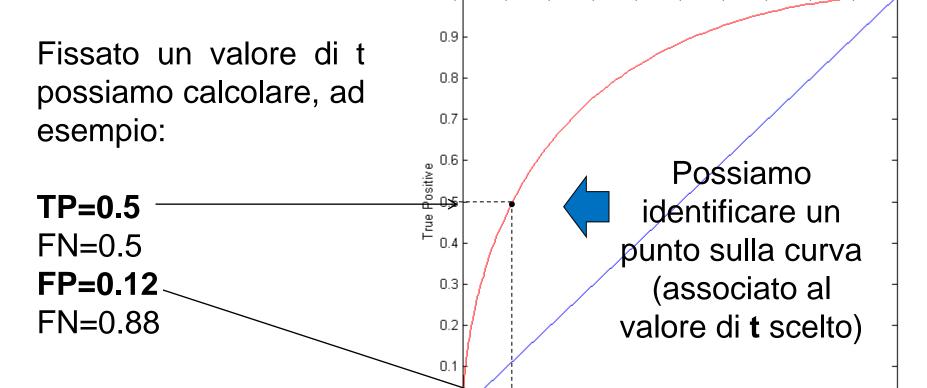
Razionale:

Fissata una soglia t, tutti gli esempi per i quali il modello (classificatore) genera uno score >t vengono predetti positivi.

Questo ci permette di quantificare, per ogni scelta del valore soglia, TP, TN, FP e FN.



Razionale:



0.2

0.3

0.7

0.8

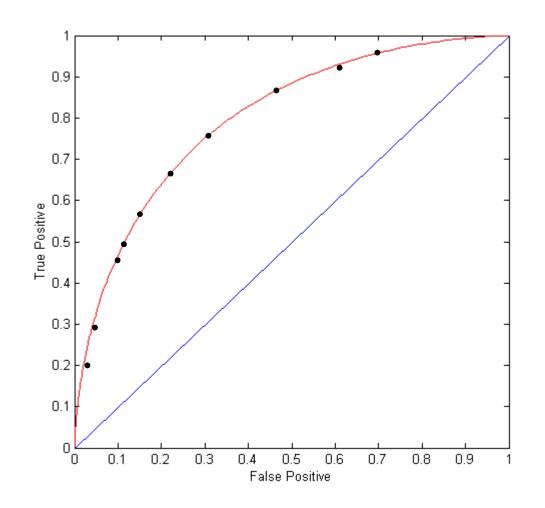
0.9

0.5

False Positive

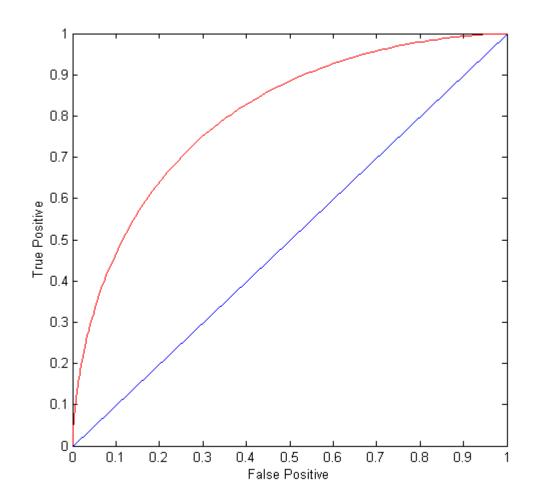
Razionale:

degli Il valore score dal generati classificatore può variare tra 0 e 1 Possiamo calcolare TP e FP per una serie di valori di t (es. 0.1, 0.2, 0.3, 0.4, 0.5, 0.6, ..., 1.0). In questo modo otteniamo diversi punti che compongono curva ROC.



Razionale:

Ciò che è importante non è la curva di per sé ... ma l'area sotto la curva. Questa quantità è indicata con il termine Area Under the ROC curve (AUC)

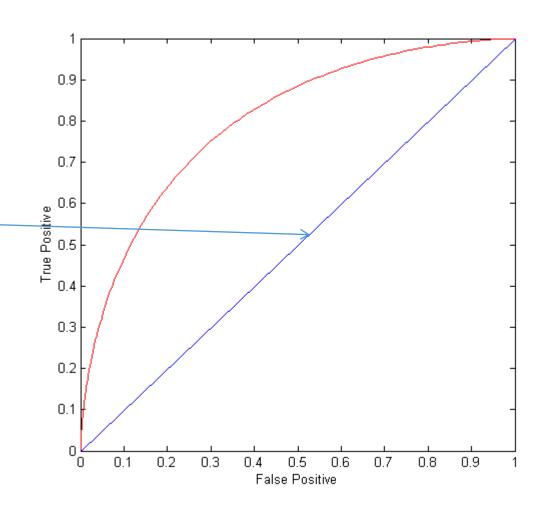


AUC = 1

Il classificatore è perfetto

AUC = 0.5

Il classificatore è totalmente <u>casuale</u> (lancio di una moneta)



Rispetto a TP e FP:

TP:0, FP:0

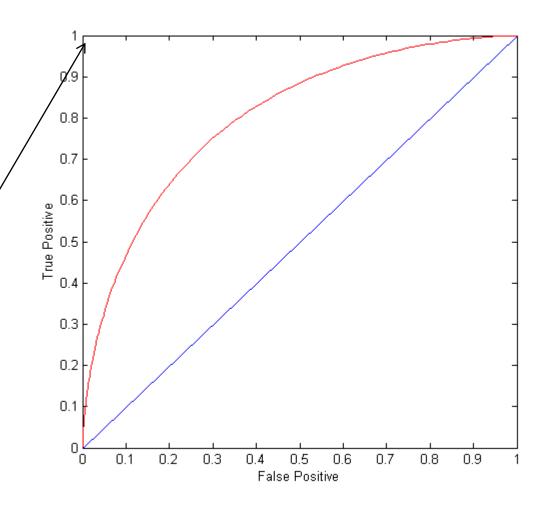
Predice sempre «negativo»

TP:1, FP:1

Predice sempre «positivo»

TP:1, FP:0

Classificatore ideale



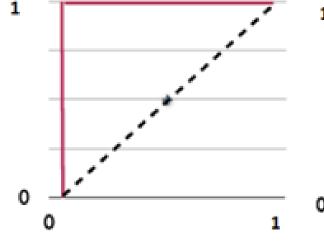
Curva ROC

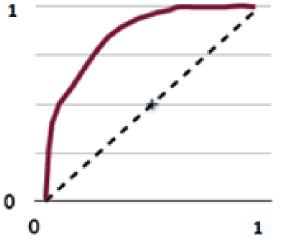
AUC=I

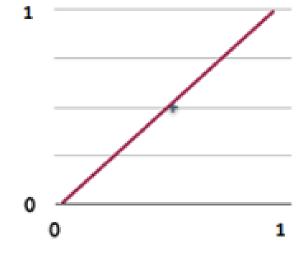
AUC=0,8

AUC=0,5

A migliore di B milgiore di C (lancio moneta)







A

B

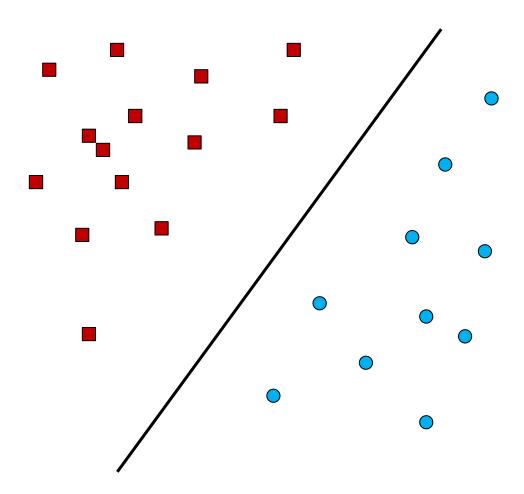
C

In questo esempio addestreremo un classificatore in R. Il tipo di classificatore che utilizzeremo è una

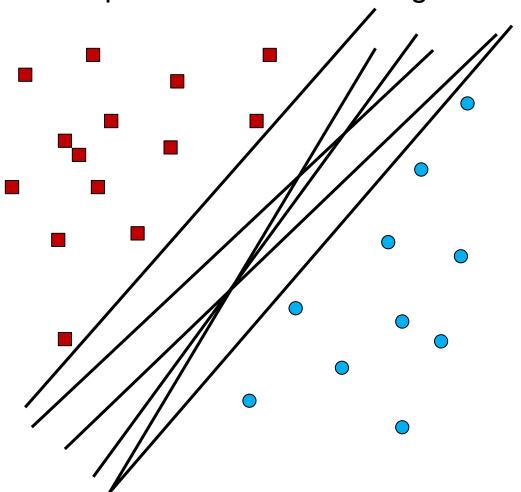
Support Vector Machine, o SVM (macchina a vettori di supporto)

Una implementazione di questo metodo è disponibile nella libreria e1071 di R (installatela).

Classificatore che cerca di separare due classi di esempi mediante un piano di separazione (in 2D, una retta)

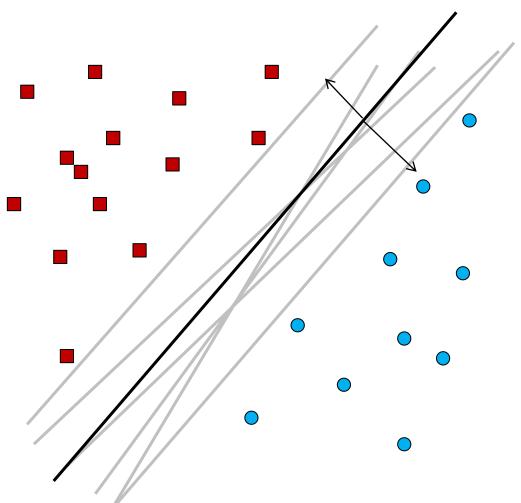


Ci sono diverse opzioni (rette) in grado di separare in modo corretto i punti ... quale sarà la retta «migliore»?



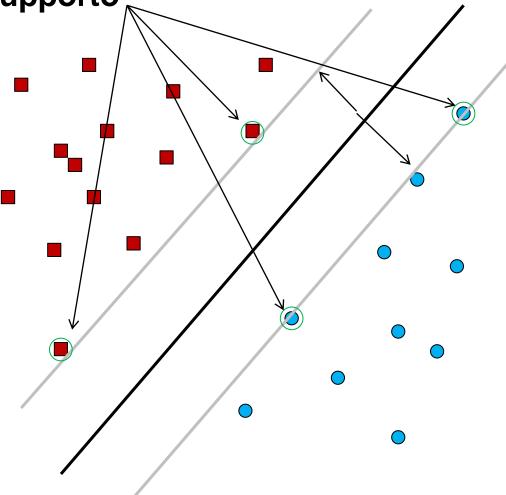
Quella che rende più ampio il margine che separa le due

classi.



Questa retta è identificata da alcuni punti (esempi) detti

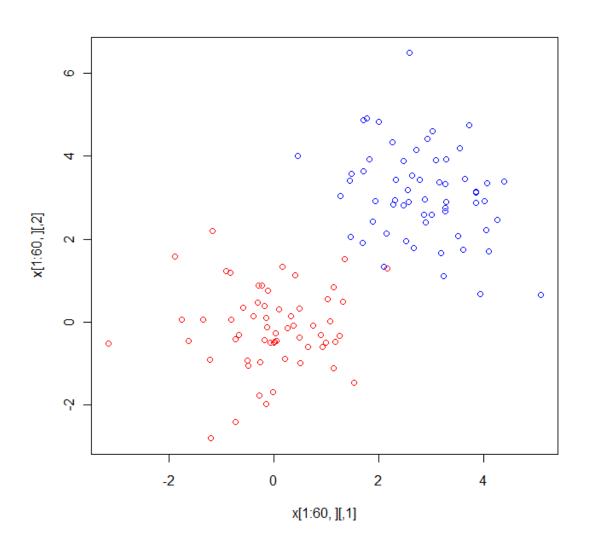
vettori di supporto



Razionale SVM:

- Devo addestrare su utilizzando una quantità finita di esempi
- Non so nulla rispetto a tutti gli altri esempi (punti) presenti nell'universo (ma dovrò cercare di predire correttamente la loro classe)
- La soluzione MENO RISCHIOSA è quella di creare un modello che rende massima la separazione tra gli esempi delle due classi che ho a disposizione (il che equivale a rendere il più ampio possibile il margine di separazione tra le classi)

```
# Creazione di un dataset sintetico:
data <- rbind(matrix(rnorm(120, mean=0), , 2),</pre>
matrix(rnorm(120, mean = 3), , 2))
# grafico del dataset:
plot(x[1:60,],col="red",
xlim=c(min(x[,1]), max(x[,1])),
ylim=c(min(x[,2]),max(x[,2]))
points(x[61:120,],col="blue")
# creazione etichette:
labels <- matrix(c(rep(1, 60), rep(-1, 60)))
```



```
# UTILIZZO LIBRERIA e1071 per SVM:
library(e1071)

#Addestramento:

model <- svm(x=data, y=labels, type = "C-classification", kernel="linear", cost=10)

summary(model)</pre>
```

```
# Test:
# Creazione di un dataset sintetico:
data2 <- rbind(matrix(rnorm(120, mean=0), , 2),</pre>
matrix(rnorm(120,mean = 3), , 2))
# creazione etichette:
labels2 <- matrix(c(rep(1, 60), rep(-1, 60)))
#PREDIZIONE:
pred <- predict(model, data2)</pre>
pred2 <- predict(model, data2, decision.values = TRUE)</pre>
pred.numeric <- as.numeric(as.character(pred))</pre>
# matrice di confusione:
table (num.pred, labels2)
```

```
############# visualizzazione del modello addestrato
##############

trainingdata <- cbind(data,as.factor(labels))
trainingdata<-as.data.frame(trainingdata)
colnames(trainingdata)<-c("x","y","dataLabels")
model3 <- svm(dataLabels ~ ., data = trainingdata,
type = "C-classification", kernel = "linear", cost =
10)

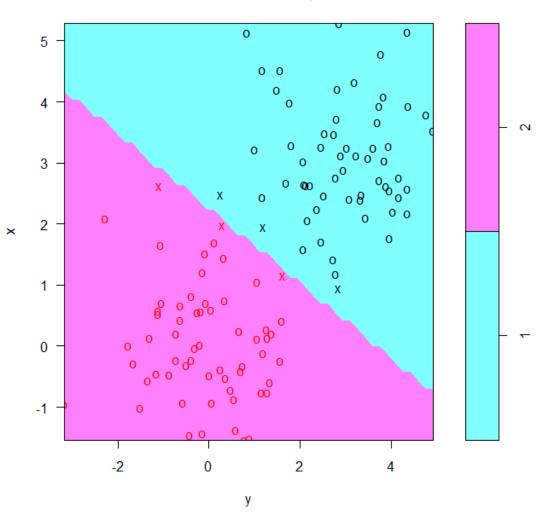
plot(model3,trainingdata)</pre>
```

```
############# visualizzazione del modello addestrato
##############

trainingdata <- cbind(data,as.factor(labels))
trainingdata<-as.data.frame(trainingdata)
colnames(trainingdata)<-c("x","y","dataLabels")
model3 <- svm(dataLabels ~ ., data = trainingdata,
type = "C-classification", kernel = "linear", cost =
10)

plot(model3,trainingdata)</pre>
```





```
# kernel radiale

trainingdata <- cbind(data,as.factor(labels))
trainingdata<-as.data.frame(trainingdata)
colnames(trainingdata)<-c("x","y","dataLabels")
model3 <- svm(dataLabels ~ ., data = trainingdata,
type = "C-classification", kernel = "radial", cost =
10)

plot(model3,trainingdata)</pre>
```

